

学术报告

报告题目：生态学指导下的宏基因组数据挖掘-微生物组与代谢疾病

Ecology-based data mining for metagenomic analysis of human gut microbiome in metabolic diseases



报告人：赵立平

报告时间：2018年9月28日（周五） 15:30-17:00

报告地点：北楼四楼会议室

报告人简介：

赵立平，上海交通大学和美国罗格斯大学教授，美国微生物科学院院士。ISME Journal(国际微生物生态学会会刊,影响因子 9.3)的资深编辑, Journal of Molecular Medicine, FEMS Microbiology Ecology, Microbial Biotechnology, Scientific Report 等国际刊物编委。他领导的团队是国际知名的微生物分子生态学研究小组,在复杂微生物群落结构分析技术和统计计算方法、结构与功能相关性、功能细菌分离及机制研究等方面做了很多创新性工作,特别在肠道菌群与肥胖等代谢性疾病的关系研究中,提出“代谢性疾病的肠源性学说”,发现并验证了首例能够引起肥胖症的人体肠道细菌。在美国科学院院报(PNAS),国际微生物生态学会会刊(ISME Journal)、Nature Communications、Nature Reviews Microbiology 等刊物发表论文四十余篇。目前的研究重点是,营养如何通过改变菌群从而影响代谢性疾病的发生和发展,以及如何挖掘、利用中国传统养生食材和中医药中的有效成分,通过调理菌群结构进行肥胖、糖尿病等代谢性疾病的预防和治疗。

欢迎所内外师生参加!

中国科学院沈阳应用生态研究所

生物资源与生物技术研究中心

微生物资源与生态组